

## XL TCL1 BA 分离探针

订货号:  
D-5142-100-OG

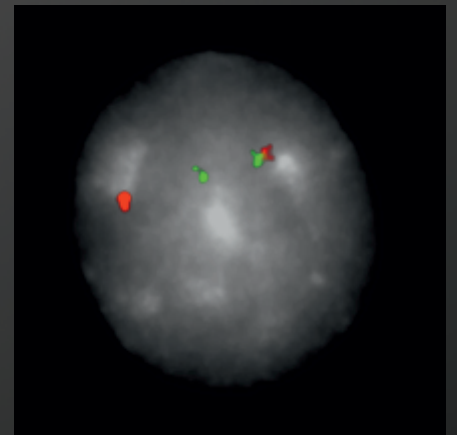
### 描述

XL TCL1 BA是由一个与TCL1A/TCL1B基因区域近端14q32.1处杂交的橙色标记探针和与一个TCL1A/TCL1B基因区域远端14q32.1-14q32.2处杂交的绿色标记探针组成。

### 临床细节

TCL1A基因 (TCL1家族AKT共激活因子A 以前被称为T细胞白血病/淋巴瘤1A 是在二十世纪九十年代被发现的。它属于包括有TCL1A 14q32.13 TCL1B 14q32.13 和MTCP1 Xq28 的TCL1基因家族。在生理学上, TCL1编码的蛋白在胎儿组织和淋巴细胞早期发育阶段中表达。它通过多种信号通路调控许多负责细胞增殖、存活和表观遗传修饰的蛋白质。

在慢性淋巴细胞白血病 (CLL)、各种淋巴瘤和T-细胞幼淋巴细胞白血病 (T-PLL) 中已检测到有TCL1表达水平的失调。在T细胞中, TCL1失调是由染色体重排事件导致的TCL1受到T细胞受体 (TCR) 增强子元件控制所引起的。已经发现有两个不同的断点簇, 它们位于TCL1A/TCL1B/TCL6基因簇侧翼一个160kb区域的两侧。TCR $\alpha$ /TCR $\delta$ 和TCR $\beta$ 基因位点导致TCL1A易位重排已经被得到了精确地描述。基本的染色体重排最常见的畸变是 $inv(14)(q11q32)$  其他还有 $t(14;14)(q11;q32.1)$ 和 $t(7;14)(q35;q32.1)$  由于TCL1在激活不同的生存和增殖维持通路中起着主要的作用, 噬菌体展示技术和基于结构的药物设计方法被用于靶向TCL1



XL TCL1 BA 与淋巴细胞杂交。一个融合信号, 一个分开的橙色和绿色信号显示的一个畸变间期细胞核, 表示了参与一个重排的TCL1基因簇。

### 临床应用

- T-细胞幼淋巴细胞白血病 (T-PLL)

### 文献

- Virgilio et al (1994) PNAS 91: 12530-12534
- Saitou et al (2000) Oncogene 19: 2796-2802
- Paduano et al (2018) Front Oncol doi:10.3389/fonc.2018.00317

# FACTSHEET

# MetaSystems Probes

*MetaSystems China Co. Ltd.*

美达思医疗科技泰州有限公司  
中国江苏泰州市，中国医药城港口泰路东侧、  
新阳路北侧G26幢10楼026室

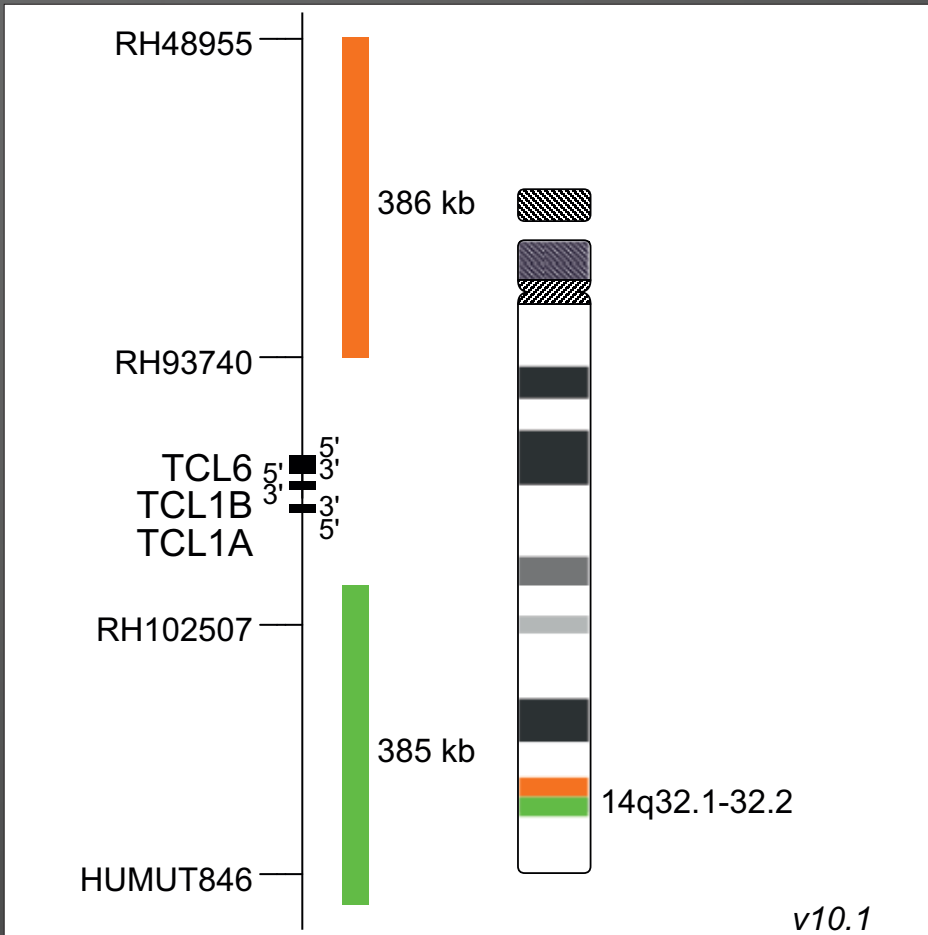
邮编：225300

电话：+86 183 5118 1023

[info@metasystems-china.com](mailto:info@metasystems-china.com)

[www.metasystems-probes.com/cn/](http://www.metasystems-probes.com/cn/)

v10.1



正常细胞：两个绿色-橙色共定位/融合信号 (2Q0)



畸变细胞 (典型结果)：  
一个绿色-橙色共定位/融合信号 (1Q0) 和分别产生于各自位点染色体断裂的一个分开的绿色 (1G) 和橙色 (1O) 的信号。



*MetaSystems Asia Co. Ltd.*

Unit 608, No. 12 Science Park West  
Avenue

Hong Kong Science Park

Shatin, New Territories, Hong Kong

tel +852 2587 8333

[info@metasystems-asia.com](mailto:info@metasystems-asia.com)

# FACTSHEET

