

# XL IGH/MAFB

## DF

易位/  
双融合探针

订货号：

D-5146-100-OG

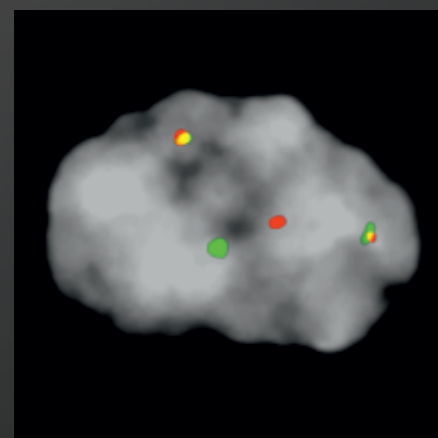
### 描述

XL IGH/MAFB DF探针是双融合探针。橙色标记的探针覆盖了MAFB基因，并位于20q12上断点的侧面，绿色标记的探针位于14q32上IGH断点区域的侧面。

### 临床细节

多发性骨髓瘤（MM）最常见的原发异常是奇数染色体的三染色体性或涉及免疫球蛋白重链（IGH）基因位点的易位。按它们出现的顺序，最常见的MM相关的IGH易位是t(11;14)，t(4;14)，t(6;14)，t(14;16)和t(14;20)。作为它们与IGH位点上的转录增强子并列的结果，IGH的易位伙伴基因是失调的。预后和风险分类与细胞遗传学主要异常的检测和解释密切相关。根据国际骨髓瘤工作组（IMWG），基于FISH涉及易位的IgH基因位点分析的MM风险分类是整个诊断中的一项内容。继发作用也会影响结果。即使在MM中与不良预后关联，以t(14;20)出现为特征的MGUS/SMM病例在进展发生前可以稳定数年，而有t(4;14)和t(14;16)的MGUS/SMM病例进展速度明显更快。反复出现的t(14;20) (q32;q12)易位导致在谱系特异性造血中起重要作用的碱性亮氨酸拉链转录因子MAFB（V-maf肌肉筋膜性纤维肉瘤癌基因同源物B）的异位表达。此外，t(14;20)通过促进细胞周期蛋白D2的高活性而与不良预后关联，从而使正常平衡的细胞周期失调。

XL IGH/MAFB DF是XL t(14;20) IGH/MAFB DF (D 5105-100-OG)的改进型，是一个新的以整个MAFB基因覆盖为特点的设计。



XL IGH/MAFB DF与骨髓细胞杂交，可见一个异常细胞。一个t(14;20)易位出现产生了两个共定位/融合信号（一个绿色和一个橙色信号）的信号模式。

### 临床应用

- MM

### 文献

- Boersma-Vreugdenhil et al (2004) Brit J Haem 126:355-363
- Ross et al (2010) Haematologica 95:1221-1225
- Rajan and Rajkumar (2015) Blood Cancer J 5:e365

# FACTSHEET

