

# XL t(14;18) IGH/MALT1

## DF

易位/  
双融合探针

订货号:

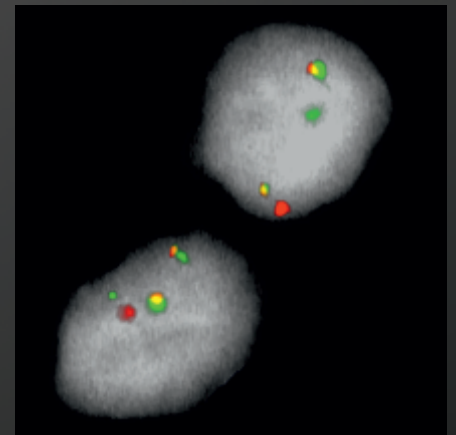
D-6020-100-OG

### 描述

XL t(14;18) IGH/MALT1 DF是双融合探针。橙色标记的探针在18q21上覆盖了MALT1基因，绿色标记的探针位于14q32上IGH断点区域侧面。该探针适用于甲醇/醋酸固定的细胞和组织切片。

### 临床细节

MALT（粘膜相关淋巴组织）淋巴瘤发生于不同的解剖部位，与几种不同的慢性炎症疾病密切相关。在所分析的MALT淋巴瘤病例中，高达50%的病例显示为MALT1重组。MALT1基因最初是通过其参与MALT淋巴瘤相关t(11;18)(q21;q21)易位而被鉴定出来的。这种重组在30%的所有MALT淋巴瘤病例中被检测到，重组导致了BIRC3-MALT1融合。MALT1基因局限在MALT淋巴瘤，在淋巴结或脾缘区淋巴瘤、弥漫性大B细胞淋巴瘤或其他非霍奇金淋巴瘤中未有发现。在所分析的MALT淋巴瘤病例中，约20%的病例以导致IGH-MALT1融合的t(14;18)(q32;q21)为特征。这种相互间的易位将MALT1与IGH位点上的转录增强子并列，导致MALT1基因的过表达。两个染色体上不同的断点是被精确定义的。MALT1的致癌潜能与其参与核因子kappa B (NF-κB) 的激活有关。这种重要的转录因子介导抗凋亡、细胞存活和增殖促进基因的表达。此外，有新的证据表明，在MALT淋巴瘤的发病过程中，上述基因重组和免疫刺激之间存在致癌交联。



XL t(14;18) IGH/MALT1 DF与骨髓细胞杂交，可见两个畸变细胞。一个t(14;18)易位的出现产生了一个两个共定位/融合信号（一个绿色信号和一个橙色信号）的信号模式。

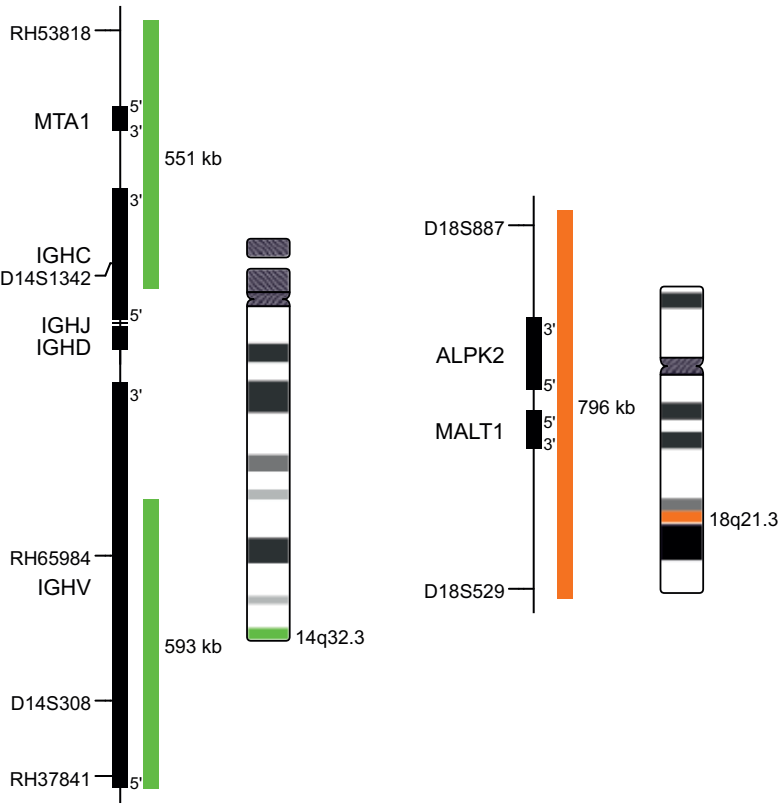
### 临床应用

- NHL

### 文献

- Streubel et al (2003) Blood 101:2335-2339
- Bacon et al (2007) J Clin Pathol 60:361-372
- Du (2017) Best Pract Res Clin Haematol 30:13-23

# FACTSHEET



v10.1

# MetaSystems Probes

## EUROPE

**Germany, Altlussheim**

[info@metasystems-probes.com](mailto:info@metasystems-probes.com)

**Italy, Milano**

[info@metasystems-italy.com](mailto:info@metasystems-italy.com)

## AMERICA

**USA, Newton**

[info@metasystems.org](mailto:info@metasystems.org)

**Argentina, Buenos Aires**

[info@metasystems-latam.com](mailto:info@metasystems-latam.com)

## ASIA & INDIA

**China, Hong Kong**

[info@metasystems-asia.com](mailto:info@metasystems-asia.com)

**China, Taizhou**

[info@metasystems-china.com](mailto:info@metasystems-china.com)

**India, Bangalore**

[info@metasystems-india.com](mailto:info@metasystems-india.com)

正常细胞：两个绿色 (2G) 和两个橙色 (2O) 信号。



畸变细胞 (典型结果)：1个绿色 (1G)，1个橙色 (1O)，和由各自基因位点间的相互易位引起的2个绿色-橙色共定位/融合信号 (2GO)。



Document No.: PFS-D6020-2019-11-01-W © 2019 by MetaSystems Probes

# FACTSHEET



[info@metasystems-probes.com](mailto:info@metasystems-probes.com)

[www.metasystems-probes.com](http://www.metasystems-probes.com)

